***ANGABEN ZU DEN VORGESEHENEN***

***GENTECHNISCHEN ARBEITEN***

**1. Titel:**

**2. Beschreibung der vorgesehenen gentechnischen Arbeiten
nach Maßgabe des §10 Abs. 2 Satz 2 Nr. 5 GenTG**

*Bitte formulieren Sie eine kurze Projektbeschreibung, gehen Sie auf Zweck, Zielsetzung und Methodik ein, erläutern Sie die geplanten Arbeitsschritte und fügen Sie ggf. ein Fließschema bei. Ergänzen Sie z.B. bei Arbeiten mit Toxinen oder großvolumigen Ansätzen das maximal verwendete Kulturvolumen.*

**3 Risikobewertung nach § 6 Abs. 1 GenTG**

*Bitte nennen Sie alle für die Risikobewertung relevanten Informationen.*

**3.1 Überführte Nukleinsäuren**:

*Bitte listen Sie die verwendeten Inserts auf (gerne Gruppierungen angeben), nennen Sie die Genbezeichnungen inkl. Abkürzungen, die shRNAs, sgRNAs usw. und führen Sie die Spenderorganismen auf, aus denen diese Sequenzen stammen. Orientieren Sie sich an den aufgeführten Beispielen.*

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| Insert | Gefährdungspotential (z.B. keines, Onkogen?, Toxin?) | Spender | Risikogruppe des Spenders |
| Transkriptionsfaktor, z.B. KLF2 (Krüppel-like Factor 2)\* | Kein Gef.potential | *Homo sapiens* | RG1 |
| Transkriptionsfaktor, z.B. SOX2 (SRY, sex determining region Y-box 2)\* | Onkogen | *Homo sapiens* | RG1 |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |

\* Beispiel; bitte beim Ausfüllen löschen.

**3.3.2 Plasmide**:

*Bitte führen Sie die verwendeten Plasmide\*\* in der Liste auf (siehe Beispiel) und legen Sie vollständige Plasmidkarten bei, in denen alle funktionellen und regulatorischen Elemente eingetragen sind. Bitte erläutern Sie in der Legende Abkürzungen, nennen Sie den jeweiligen Spender und ggf. die Funktion.*

 *\*\*Falls unterschiedliche Gene in ein und dasselbe Backbone eingefügt werden, muss nicht jedes einzelne, rekombinante Plasmid aufgeführt werden. Es genügt in diesem Fall eine einmalige Beschreibung.*

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Name des Plasmids/Vektors | Beschreibung | Quellenangabe(Addgene-Nummer, ZKBS-Liste, Literatur) |
| FUW-M2rtTA\* | Lentiviraler Transfervektor, pBR-Derivat mit reversem Tetrazyklin-kontrollierten Transaktivator | Addgene #20342 (gerne mit Link) |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |

\* Beispiel; bitte beim Ausfüllen löschen.

**3.3 Empfänger**:

*Bitte nennen Sie alle Empfängerorganismen inkl. Risikogruppe unter Angabe der Einstufung nach ZKBS, TRBA oder sonstiger Listen (DSMZ, ATCC, usw.). Machen Sie beispielsweise auch Angaben zu Virusassoziationen oder gentechnischen Veränderungen.*

**3.4 GVO**:

*Bitte nennen Sie die (kommerziell) erworbenen oder selbst durch z.B. Transformation/Transfektion/Infektion hergestellten GVO unter Angabe der Risikogruppe*

**3.5 Begründung der Riskobewertung:**

*Bitte begründen Sie kurz Ihre Einstufung der GVO in eine Risikogruppe und gehen Sie dabei z.B. auf ZKBS-Stellungnahmen, Virusassoziationen bei Empfängern, Abstufungen oder Rekombinationsmöglichkeiten ein.*